



Full wwPDB EM Validation Report ⓘ

Jun 30, 2025 – 06:31 PM EDT

PDB ID : 9E23 / pdb_00009e23
EMDB ID : EMD-47430
Title : Cryo-EM structure of Pre-Chi dynein tail
Authors : Nguyen, K.H.V.; Kendrick, A.A.; Leschziner, A.E.
Deposited on : 2024-10-21
Resolution : 6.20 Å(reported)

This is a Full wwPDB EM Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/EMValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

EMDB validation analysis : 0.0.1.dev118
MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0rc1
Percentile statistics : 20231227.v01 (using entries in the PDB archive December 27th 2023)
MapQ : 1.9.13
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.44

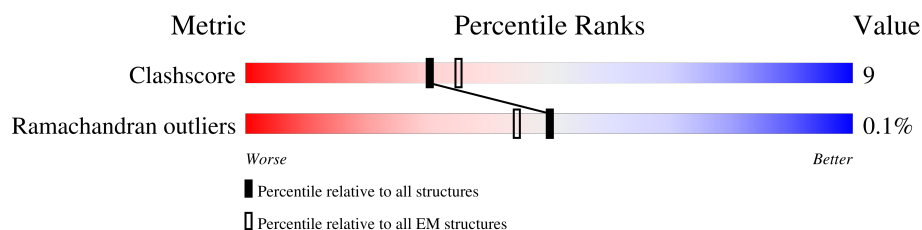
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

ELECTRON MICROSCOPY










The reported resolution of this entry is 6.20 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	EM structures (#Entries)
Clashscore	210492	15764
Ramachandran outliers	207382	16835

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the map. The red, orange, yellow and green segments of the bar indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$. The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the EM map (all-atom inclusion $< 40\%$). The numeric value is given above the bar.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	E	96	 84% 16%
1	F	96	 66% 34%
2	D	612	 48% 20% 32%
2	H	612	 57% 13% 30%
2	g	612	 5% 95%
2	h	612	 5% 95%
3	d	89	 6% 91% 9%
3	i	89	 19% 90% 10%
4	k	113	 49% 82% 7% 11%

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Length	Quality of chain
4	v	113	<div><div><div>58%</div><div>86%</div><div>11%</div></div></div>
5	B	492	<div><div><div>57%</div><div>9%</div><div>34%</div></div></div>
5	C	492	<div><div><div>57%</div><div>9%</div><div>34%</div></div></div>
6	A	4843	<div><div><div></div><div>97%</div></div></div>
6	G	4843	<div><div><div></div><div>97%</div></div></div>
6	e	4843	<div><div><div>23%</div><div>76%</div></div></div>
6	f	4843	<div><div><div>23%</div><div>76%</div></div></div>

2 Entry composition [i](#)

There are 6 unique types of molecules in this entry. The entry contains 21249 atoms, of which 0 are hydrogens and 0 are deuteriums.

In the tables below, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

- Molecule 1 is a protein called Dynein light chain roadblock-type 1.

Mol	Chain	Residues	Atoms				AltConf	Trace
1	E	96	Total	C	N	O	0	0
			477	285	96	96		
1	F	96	Total	C	N	O	0	0
			477	285	96	96		

- Molecule 2 is a protein called Isoform 2C of Cytoplasmic dynein 1 intermediate chain 2.

Mol	Chain	Residues	Atoms				AltConf	Trace
2	H	429	Total	C	N	O	0	0
			2118	1260	429	429		
2	g	31	Total	C	N	O	0	0
			154	92	31	31		
2	h	31	Total	C	N	O	0	0
			154	92	31	31		
2	D	416	Total	C	N	O	0	0
			2054	1222	416	416		

There are 8 discrepancies between the modelled and reference sequences:

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
H	484	SER	THR	conflict	UNP Q13409
H	499	GLY	ASP	conflict	UNP Q13409
g	484	SER	THR	conflict	UNP Q13409
g	499	GLY	ASP	conflict	UNP Q13409
h	484	SER	THR	conflict	UNP Q13409
h	499	GLY	ASP	conflict	UNP Q13409
D	484	SER	THR	conflict	UNP Q13409
D	499	GLY	ASP	conflict	UNP Q13409

- Molecule 3 is a protein called Dynein light chain 1, cytoplasmic.

Mol	Chain	Residues	Atoms				AltConf	Trace
3	d	89	Total	C	N	O	0	0
			441	263	89	89		
3	i	89	Total	C	N	O	0	0
			441	263	89	89		

- Molecule 4 is a protein called Dynein light chain Tctex-type 1.

Mol	Chain	Residues	Atoms				AltConf	Trace
4	k	101	Total	C	N	O	0	0
			498	296	101	101		
4	v	101	Total	C	N	O	0	0
			498	296	101	101		

- Molecule 5 is a protein called Cytoplasmic dynein 1 light intermediate chain 2.

Mol	Chain	Residues	Atoms				AltConf	Trace
5	B	324	Total	C	N	O	0	0
			1604	956	324	324		
5	C	324	Total	C	N	O	0	0
			1604	956	324	324		

- Molecule 6 is a protein called Cytoplasmic dynein 1 heavy chain 1.

Mol	Chain	Residues	Atoms				AltConf	Trace
6	e	1152	Total	C	N	O	0	0
			4608	2304	1152	1152		
6	f	1151	Total	C	N	O	0	0
			4609	2307	1151	1151		
6	A	152	Total	C	N	O	0	0
			756	452	152	152		
6	G	152	Total	C	N	O	0	0
			756	452	152	152		

There are 792 discrepancies between the modelled and reference sequences:

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
e	-196	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-195	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-194	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-193	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-192	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-191	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-190	THR	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
e	-189	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-188	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-187	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-186	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-185	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-184	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-183	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-182	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-181	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-180	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-179	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-178	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-177	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-176	MET	-	expression tag	UNP Q14204
e	-175	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-174	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
e	-173	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-172	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-171	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-170	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-169	SER	-	expression tag	UNP Q14204
e	-168	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-167	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-166	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-165	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-164	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-163	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-162	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-161	SER	-	expression tag	UNP Q14204
e	-160	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-159	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-158	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-157	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-156	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-155	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-154	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-153	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
e	-152	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-151	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-150	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-149	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-148	GLY	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
e	-147	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-146	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-145	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-144	SER	-	expression tag	UNP Q14204
e	-143	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-142	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-141	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-140	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-139	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-138	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-137	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-136	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-135	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-134	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-133	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-132	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-131	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-130	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-129	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-128	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-127	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-126	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-125	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-124	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-123	MET	-	expression tag	UNP Q14204
e	-122	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-121	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-120	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-119	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-118	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-117	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-116	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-115	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-114	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-113	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-112	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-111	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-110	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-109	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-108	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-107	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-106	GLU	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
e	-105	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-104	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-103	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-102	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-101	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-100	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-99	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-98	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-97	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-96	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-95	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-94	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-93	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-92	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-91	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-90	SER	-	expression tag	UNP Q14204
e	-89	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-88	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-87	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
e	-86	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-85	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-84	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-83	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-82	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-81	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-80	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-79	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-78	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-77	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-76	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-75	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-74	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-73	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-72	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-71	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-70	SER	-	expression tag	UNP Q14204
e	-69	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-68	SER	-	expression tag	UNP Q14204
e	-67	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-66	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-65	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-64	ALA	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
e	-63	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-62	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-61	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-60	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-59	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-58	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-57	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-56	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-55	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-54	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-53	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-52	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-51	THR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-50	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-49	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-48	SER	-	expression tag	UNP Q14204
e	-47	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-46	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-45	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-44	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-43	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-42	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-41	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-40	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
e	-39	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-38	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-37	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-36	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
e	-35	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-34	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-33	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
e	-32	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-31	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-30	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-29	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-28	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-27	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-26	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-25	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
e	-24	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-23	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-22	GLY	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
e	-21	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-20	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-19	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
e	-18	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-17	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-16	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
e	-15	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-14	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-13	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
e	-12	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-11	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-10	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-9	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-8	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
e	-7	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-6	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-5	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
e	-4	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
e	-3	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	-2	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
e	-1	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	0	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
e	1	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-196	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-195	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-194	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-193	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-192	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-191	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-190	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-189	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-188	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-187	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-186	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-185	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-184	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-183	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-182	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-181	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-180	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-179	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-178	CYS	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
f	-177	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-176	MET	-	expression tag	UNP Q14204
f	-175	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-174	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
f	-173	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-172	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-171	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-170	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-169	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-168	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-167	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-166	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-165	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-164	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-163	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-162	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-161	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-160	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-159	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-158	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-157	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-156	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-155	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-154	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-153	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
f	-152	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-151	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-150	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-149	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-148	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-147	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-146	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-145	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-144	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-143	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-142	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-141	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-140	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-139	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-138	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-137	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-136	PRO	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
f	-135	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-134	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-133	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-132	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-131	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-130	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-129	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-128	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-127	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-126	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-125	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-124	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-123	MET	-	expression tag	UNP Q14204
f	-122	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-121	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-120	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-119	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-118	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-117	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-116	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-115	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-114	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-113	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-112	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-111	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-110	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-109	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-108	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-107	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-106	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-105	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-104	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-103	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-102	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-101	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-100	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-99	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-98	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-97	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-96	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-95	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-94	PHE	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
f	-93	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-92	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-91	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-90	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-89	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-88	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-87	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
f	-86	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-85	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-84	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-83	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-82	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-81	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-80	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-79	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-78	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-77	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-76	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-75	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-74	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-73	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-72	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-71	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-70	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-69	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-68	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-67	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-66	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-65	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-64	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-63	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-62	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-61	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-60	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-59	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-58	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-57	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-56	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-55	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-54	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-53	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-52	LYS	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
f	-51	THR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-50	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-49	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-48	SER	-	expression tag	UNP Q14204
f	-47	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-46	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-45	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-44	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-43	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-42	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-41	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-40	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
f	-39	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-38	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-37	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-36	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
f	-35	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-34	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-33	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
f	-32	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-31	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-30	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-29	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-28	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-27	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-26	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-25	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
f	-24	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-23	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-22	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-21	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-20	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-19	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
f	-18	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-17	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-16	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
f	-15	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-14	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-13	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
f	-12	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-11	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-10	GLY	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
f	-9	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-8	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
f	-7	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-6	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-5	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
f	-4	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
f	-3	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	-2	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
f	-1	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	0	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
f	1	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-196	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-195	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-194	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-193	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-192	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-191	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-190	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-189	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-188	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-187	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-186	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-185	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-184	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-183	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-182	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-181	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-180	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-179	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-178	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-177	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-176	MET	-	expression tag	UNP Q14204
A	-175	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-174	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
A	-173	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-172	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-171	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-170	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-169	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-168	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-167	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-166	GLY	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	-165	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-164	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-163	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-162	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-161	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-160	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-159	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-158	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-157	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-156	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-155	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-154	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-153	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
A	-152	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-151	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-150	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-149	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-148	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-147	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-146	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-145	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-144	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-143	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-142	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-141	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-140	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-139	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-138	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-137	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-136	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-135	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-134	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-133	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-132	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-131	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-130	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-129	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-128	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-127	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-126	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-125	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-124	LEU	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	-123	MET	-	expression tag	UNP Q14204
A	-122	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-121	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-120	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-119	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-118	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-117	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-116	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-115	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-114	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-113	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-112	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-111	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-110	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-109	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-108	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-107	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-106	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-105	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-104	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-103	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-102	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-101	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-100	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-99	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-98	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-97	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-96	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-95	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-94	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-93	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-92	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-91	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-90	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-89	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-88	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-87	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
A	-86	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-85	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-84	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-83	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-82	LYS	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	-81	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-80	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-79	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-78	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-77	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-76	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-75	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-74	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-73	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-72	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-71	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-70	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-69	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-68	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-67	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-66	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-65	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-64	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-63	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-62	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-61	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-60	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-59	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-58	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-57	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-56	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-55	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-54	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-53	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-52	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-51	THR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-50	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-49	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-48	SER	-	expression tag	UNP Q14204
A	-47	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-46	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-45	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-44	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-43	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-42	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
A	-41	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-40	ILE	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	-39	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-38	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-37	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-36	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
A	-35	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-34	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-33	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
A	-32	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-31	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-30	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-29	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-28	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-27	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-26	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-25	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
A	-24	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-23	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-22	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-21	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-20	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-19	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
A	-18	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-17	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-16	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
A	-15	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-14	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-13	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
A	-12	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-11	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-10	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-9	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-8	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
A	-7	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-6	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-5	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
A	-4	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
A	-3	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	-2	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
A	-1	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	0	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
A	1	SER	-	expression tag	UNP Q14204
G	-196	GLY	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
G	-195	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-194	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-193	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-192	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-191	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-190	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-189	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-188	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-187	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-186	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-185	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-184	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-183	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-182	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-181	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-180	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-179	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-178	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-177	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-176	MET	-	expression tag	UNP Q14204
G	-175	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-174	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
G	-173	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-172	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-171	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-170	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-169	SER	-	expression tag	UNP Q14204
G	-168	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-167	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-166	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-165	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-164	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-163	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-162	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-161	SER	-	expression tag	UNP Q14204
G	-160	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-159	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-158	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-157	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-156	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-155	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-154	HIS	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
G	-153	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
G	-152	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-151	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-150	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-149	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-148	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-147	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-146	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-145	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-144	SER	-	expression tag	UNP Q14204
G	-143	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-142	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-141	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-140	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-139	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-138	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-137	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-136	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-135	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-134	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-133	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-132	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-131	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-130	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-129	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-128	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-127	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-126	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-125	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-124	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-123	MET	-	expression tag	UNP Q14204
G	-122	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-121	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-120	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-119	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-118	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-117	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-116	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-115	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-114	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-113	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-112	HIS	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
G	-111	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-110	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-109	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-108	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-107	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-106	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-105	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-104	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-103	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-102	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-101	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-100	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-99	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-98	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-97	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-96	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-95	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-94	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-93	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-92	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-91	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-90	SER	-	expression tag	UNP Q14204
G	-89	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-88	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-87	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
G	-86	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-85	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-84	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-83	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-82	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-81	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-80	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-79	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-78	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-77	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-76	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-75	PHE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-74	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-73	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-72	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-71	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-70	SER	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
G	-69	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-68	SER	-	expression tag	UNP Q14204
G	-67	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-66	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-65	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-64	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-63	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-62	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-61	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-60	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-59	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-58	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-57	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-56	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-55	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-54	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-53	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-52	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-51	THR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-50	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-49	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-48	SER	-	expression tag	UNP Q14204
G	-47	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-46	ASN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-45	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-44	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-43	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-42	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-41	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-40	ILE	-	expression tag	UNP Q14204
G	-39	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-38	CYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-37	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-36	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
G	-35	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-34	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-33	GLN	-	expression tag	UNP Q14204
G	-32	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-31	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-30	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-29	ASP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-28	VAL	-	expression tag	UNP Q14204

Continued on next page...


Continued from previous page...

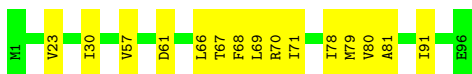
Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
G	-27	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-26	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-25	TYR	-	expression tag	UNP Q14204
G	-24	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-23	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-22	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-21	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-20	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-19	VAL	-	expression tag	UNP Q14204
G	-18	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-17	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-16	TRP	-	expression tag	UNP Q14204
G	-15	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-14	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-13	ALA	-	expression tag	UNP Q14204
G	-12	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-11	GLU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-10	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-9	HIS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-8	ARG	-	expression tag	UNP Q14204
G	-7	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-6	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-5	LYS	-	expression tag	UNP Q14204
G	-4	PRO	-	expression tag	UNP Q14204
G	-3	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	-2	LEU	-	expression tag	UNP Q14204
G	-1	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	0	GLY	-	expression tag	UNP Q14204
G	1	SER	-	expression tag	UNP Q14204

3 Residue-property plots [i](#)

These plots are drawn for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic for a chain summarises the proportions of the various outlier classes displayed in the second graphic. The second graphic shows the sequence view annotated by issues in geometry and atom inclusion in map density. Residues are color-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. A red diamond above a residue indicates a poor fit to the EM map for this residue (all-atom inclusion < 40%). Stretches of 2 or more consecutive residues without any outlier are shown as a green connector. Residues present in the sample, but not in the model, are shown in grey.

- Molecule 1: Dynein light chain roadblock-type 1

Chain E:  84% 16%



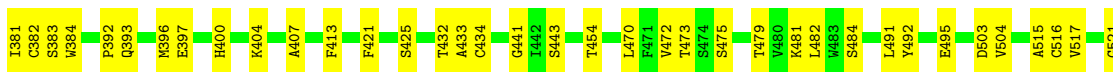
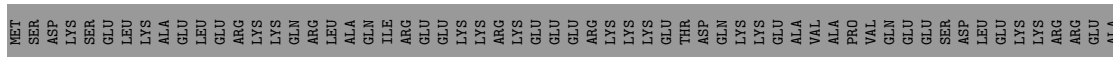
- Molecule 1: Dynein light chain roadblock-type 1

Chain F:  66% 34%



- Molecule 2: Isoform 2C of Cytoplasmic dynein 1 intermediate chain 2

Chain H:  57% 13% 30%



- Molecule 2: Isoform 2C of Cytoplasmic dynein 1 intermediate chain 2

[illegible][illegible]

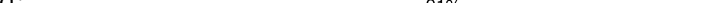
[illegible]

- Molecule 2: Isoform 2C of Cytoplasmic dynein 1 intermediate chain 2

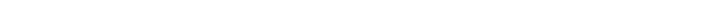
Chain D: 48% 20% 32%

T536	F421	V309	GLU	ASP	GLU	ALA	MET
V422	V422	A312	LEU	PHE	THR	VAL	SER
I539	G424		E184	PRO	LEU	GLY	SER
S540	S425	L321	E184	ARG	GLN	THR	GLY
N548	E426	V322	S193	GLU	SER	LEU	GLU
		V323		ILE	MET	ALA	LEU
W552	V430	G324	L197	VAL	GLY	LEU	GLU
	Y431	G325		THR	THR	ALA	GLU
I559	T432	T326	S212	TVR	THR	LEU	GLU
	A433	Y327	GLU	THR	THR	PRO	LEU
	C434		GLN	LYS	LYS	PRO	GLU
G562	R435	I331	ILE	GLU	GLU	SER	ARG
		V332	ASN	GLU	PRO	LYS	LYS
I568	G441	L333	ILE	GLN	VAL	ILE	LYS
V569	I442	W334	PHE	THR	VAL	GLN	GLN
I570	S443	D335	PHE	PHE	PRO	PRO	ARG
Y571	F444		ASP	VAL	PRO	ALA	LEU
D572	M445	R341	THR	MET	PRO	PRO	ALA
V573	F446		SER	THR	PRO	PRO	ALA
G574		R346	GLY	GLN	MET	GLN	GLN
R581	P452	T347	ARG	GLN	SER	ILE	ILE
N582	T454	S350	ASP	LYS	SER	ARG	ARG
W585	G455		L226	GLU	SER	GLU	GLU
A612	F471	A363	E232	ASP	LYS	LYS	LYS
		V358	I233	GLU	SER	VAL	LYS
S474	S474	Y359	Q234	GLU	SER	VAL	GLU
S475	S475	C360	A235	ASP	THR	THR	GLU
F476		V361	G236	ASP	PRO	GLU	GLU
		N362	A237	VAL	SER	ARG	ARG
W480	W480	V363	L239	VAL	ALA	LYS	LYS
L482	K481	V364	S240	ALA	GLY	LYS	LYS
W483	L482		L241	PRO	SER	LYS	GLU
		L372		LYS	GLN	GLU	GLU
P490		I373	Q244	PRO	ASP	THR	ASP
L491	L491	S374	F245	PRO	SER	GLN	GLN
Y492	Y492	S376	F245	ILE	GLY	GLN	GLN
S493			D247	PRO	ASP	LYS	LYS
		K380	S251	PRO	GLY	LYS	LYS
V501	V501	L381		GLU	ALA	GLU	GLU
Y502	Y502	C382	V255	GLU	VAL	VAL	VAL
D503	D503	S383		LYS	SER	ALA	ALA
V504	V504	W384	S257	THR	PRO	ARG	PRO
M505				LEU	VAL	VAL	VAL
		Q393	S272	LYS	GLN	GLN	GLN
A515	A515		Y273	LYS	PRO	GLY	GLY
C516	C516	M396	N274	ASP	ILE	GLU	GLU
V517	V517			GLU	LYS	LYS	SER
D518	D518	A407	G285	GLN	GLY	LEU	ASP
		W408	V286	ASN	LEU	GLY	GLY
R522	R522	T409	A287	ASP	MET	MET	GLU
L523	L523			SER	ALA	LYS	LYS
W526	W526	S412	F303	LYS	LYS	LYS	LYS
N527	N527	F413	H304	ALA	ILE	ILE	ARG
			C305	PRO	THR	THR	ARG
T521	T521	W419		PRO	GLN	GLN	GLU
		M420	A203	THR	VAL	VAL	ALA

- Molecule 3: Dynein light chain 1, cytoplasmic

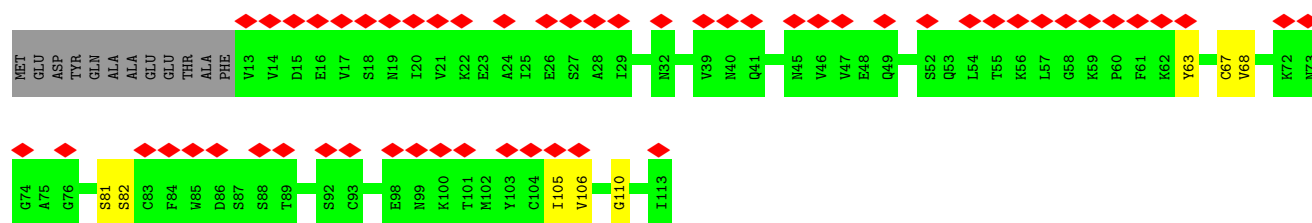
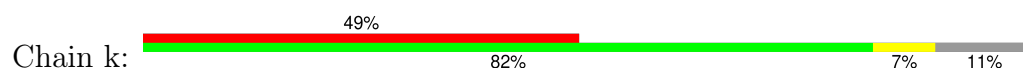
Chain d:  6% 91% 9%

- Molecule 3: Dynein light chain 1, cytoplasmic

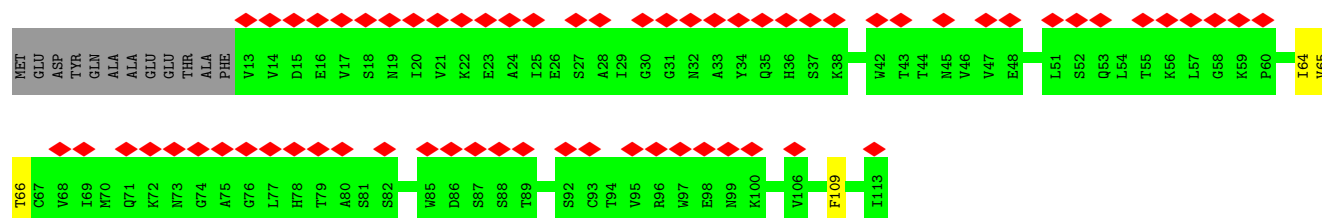
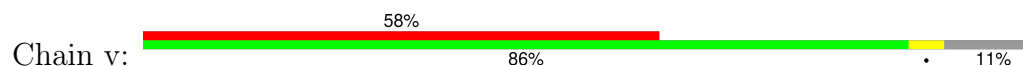
Chain i: 

Category	Count
M1	100
C2	100
K5	100
E15	100
S21	100
V22	100
A28	100
L29	100
E30	100
K31	100
Y32	100
N33	100
K36	100
A40	100
K44	100
Y50	100
N51	100
P52	100
T53	100
I57	100
S64	100
H68	100
F73	100
I74	100
Y75	100
L78	100
L84	100
L85	100
F86	100
K87	100
S88	100
S89	100

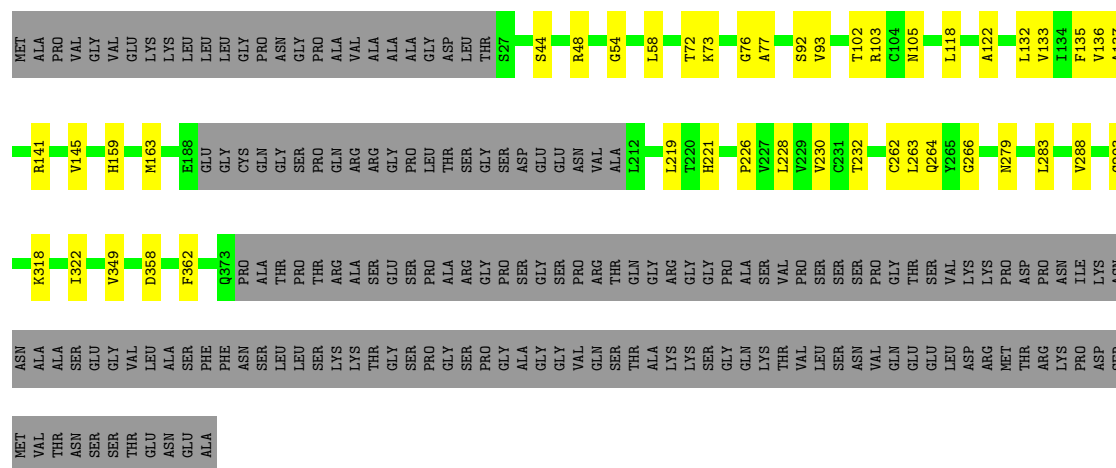
- Molecule 4: Dynein light chain Tctex-type 1



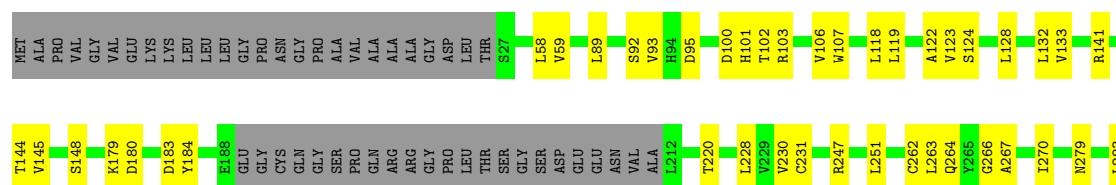
• Molecule 4: Dynein light chain Tctex-type 1



• Molecule 5: Cytoplasmic dynein 1 light intermediate chain 2



• Molecule 5: Cytoplasmic dynein 1 light intermediate chain 2







[illegible]

- Molecule 6: Cytoplasmic dynein 1 heavy chain 1



S722	V236	TNR	ASN	ASP	TRP	LYS	PRO	GLY
T723	E237	ILE	ILE	GLY	LEU	PHE	ALA	ASP
V732	D238	ARG	ASP	GLY	LEU	GLY	PRO	GLY
L733		GLU	ILE	GLU	ALA	ALA	ALA	ASP
K734		SER	HIS	ALA	HIS	VAL	VAL	ILE
L735		GLY	TYR	PRO	GLU	ILE	PRO	PRO
K736	Q244	LYS	VAL	ALA	GLY	SER	LEU	THR
		ALA	GLY	ASP	HIS	GLY	GLY	THR
L753	L301	ARG	SER	LEU	GLY	HIS	PRO	ASN
	D302	ASP	ASN	ALA	GLY	LEU	GLU	LEU
F758		GLY	SER	ALA	LYS	ALA	PRO	TYR
		ASP	LEU	LEU	PRO	ALA	LEU	PHE
L804	H306	LYS	PHE	GLU	GLY	ALA	GLY	GLN
	G307	MET	ALA	GLU	LEU	GLN	MET	GLY
V824		ALA	ILE	GLY	GLY	ALA	GLY	ASP
E825	K441	PRO	LYS	SER	GLY	THR	THR	LYS
		SER	ARG	ALA	GLY	PRO	ALA	ASP
S894	N445	VAL	THR	LEU	SER	ALA	ALA	ASP
		GLU	PRO	LEU	SER	TRP	LEU	CYS
L927	R451	LYS	PRO	GLU	GLU	ALA	GLU	GLY
	I452	LYS	VAL	GLN	PRO	THR	ASN	MET
GLN	N453	ILE	ILE	MET	GLY	ALA	ALA	LYS
ALA	P454	ALA	ASP	ARG	GLY	TYR	ARG	ARG
GLU	ALA	GLU	ASP	PHE	GLY	VAL	PHE	THR
ASP	H456	LEU	LYS	LEU	GLY	THR	HIS	THR
		GLY	PRO	SER	GLY	GLN	GLN	ASP
LYS	Y488	MET	VAL	GLY	ASP	LEU	PRO	SER
ALA		GLY	SER	PRO	GLY	ALA	ALA	PRO
GLU	THR	LEU	SER	GLN	SER	ILE	ILE	LEU
VAL	ALA	LEU	GLN	VAL	ALA	GLY	GLU	GLY
ASP	ALA	LEU	GLN	VAL	GLY	ASN	GLY	LYS
NET	GLN	HIS	ARG	HIS	GLY	PRO	PHE	LEU
ASP	GLN	LEU	ARG	THR	LEU	VAL	GLY	GLU
THR	GLN	GLN	VAL	THR	GLU	PRO	PRO	GLU
ASP	ASN	GLN	LEU	VAL	VAL	ILE	VAL	LEU
ALA	GLN	ASN	THR	VAL	SER	LEU	PRO	SER
PRO	GLY	ILE	GLY	ILE	ALA	ILE	ALA	GLY
GLN	GLU	GLU	SER	ARG	VAL	PRO	LEU	CYS
VAL	VAL	ILE	GLU	SER	VAL	HIS	HIS	GLY
		PRO	ASP	THR	VAL	ASN	GLN	GLY
HIS	GLU	GLU	SER	LEU	ALA	ARG	PRO	LEU
K948	PRO	ILE	PRO	LYS	ALA	VAL	VAL	LEU
	GLN	SER	TYR	GLY	ASP	PHE	HIS	HIS
E961	ASP	GLU	GLU	ASP	VAL	GLN	GLN	ARG
L962	MET	LEU	GLU	VAL	VAL	GLY	GLN	ILE
R963	LYS	ILE	LEU	GLY	VAL	ASP	GLU	ILE
	VAL	ILE	HIS	ASP	LEU	LEU	PHE	PHE
Y970	ALA	H210	SER	GLY	GLN	ASP	LEU	LEU
L971	GLU		SER	GLY	LYS	VAL	THR	GLY
N972	VAL	A217	PHE	GLY	ILE	VAL	ARG	GLY
	LEU		ILE	GLU	THR	VAL	VAL	GLY
R998	F512	R223	ASN	LYS	ARG	TYR	VAL	THR
		G224	ALA	GLY	LYS	GLY	LEU	SER
E1016	D516	E225	VAL	PHE	LEU	GLY	TRP	ALA
	A517	K226	ALA	ILE	PRO	GLY	LYS	ASP
L1197		T230	PHE	THR	LEU	ALA	LEU	VAL
R1201	G715	R716	LYS	ASN	LEU	LYS	LYS	VAL
F1202	I717	C723	SER	ILE	GLY	VAL	VAL	GLU





[illegible]

- Molecule 6: Cytoplasmic dynein 1 heavy chain 1

Chain A:  97%

[illegible]







[illegible]

- Molecule 6: Cytoplasmic dynein 1 heavy chain 1

Chain G:  97%

[illegible]









4 Experimental information

Property	Value	Source
EM reconstruction method	SINGLE PARTICLE	Depositor
Imposed symmetry	POINT, Not provided	
Number of particles used	12517	Depositor
Resolution determination method	FSC 0.143 CUT-OFF	Depositor
CTF correction method	PHASE FLIPPING AND AMPLITUDE CORRECTION	Depositor
Microscope	TFS KRIOS	Depositor
Voltage (kV)	300	Depositor
Electron dose ($e^-/\text{\AA}^2$)	55	Depositor
Minimum defocus (nm)	610	Depositor
Maximum defocus (nm)	3250	Depositor
Magnification	Not provided	
Image detector	FEI FALCON IV (4k x 4k)	Depositor
Maximum map value	0.431	Depositor
Minimum map value	-0.194	Depositor
Average map value	0.000	Depositor
Map value standard deviation	0.014	Depositor
Recommended contour level	0.0339	Depositor
Map size (Å)	388.96, 388.96, 388.96	wwPDB
Map dimensions	416, 416, 416	wwPDB
Map angles (°)	90.0, 90.0, 90.0	wwPDB
Pixel spacing (Å)	0.935, 0.935, 0.935	Depositor

5 Model quality [i](#)

5.1 Standard geometry [i](#)

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	# Z >5	RMSZ	# Z >5
1	E	0.15	0/476	0.35	0/663
1	F	0.21	0/476	0.40	0/663
2	D	0.18	0/2052	0.36	0/2854
2	H	0.19	0/2117	0.39	0/2946
2	g	0.09	0/153	0.21	0/212
2	h	0.13	0/153	0.32	0/212
3	d	0.12	0/440	0.37	0/612
3	i	0.10	0/440	0.28	0/612
4	k	0.09	0/497	0.23	0/690
4	v	0.10	0/497	0.27	0/690
5	B	0.26	0/1602	0.43	0/2230
5	C	0.22	0/1602	0.39	0/2230
6	A	0.10	0/753	0.27	0/1047
6	G	0.11	0/753	0.38	0/1047
6	e	0.18	0/4605	0.32	0/5751
6	f	0.18	0/4605	0.32	0/5753
All	All	0.18	0/21221	0.35	0/28212

There are no bond length outliers.

There are no bond angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

5.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	E	477	0	204	10	0
1	F	477	0	204	22	0
2	D	2054	0	943	75	0
2	H	2118	0	971	48	0
2	g	154	0	65	0	0
2	h	154	0	65	0	0
3	d	441	0	204	5	0
3	i	441	0	204	4	0
4	k	498	0	225	5	0
4	v	498	0	225	3	0
5	B	1604	0	700	22	0
5	C	1604	0	700	27	0
6	A	756	0	333	8	0
6	G	756	0	333	3	0
6	e	4608	0	1207	12	0
6	f	4609	0	1210	15	0
All	All	21249	0	7793	254	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 9.

All (254) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
6:e:1102:PHE:H	6:e:1107:ILE:H	1.31	0.78
2:D:522:ARG:HA	2:D:540:SER:HA	1.74	0.69
5:C:119:LEU:O	5:C:123:VAL:N	2.26	0.68
6:A:152:PHE:O	6:A:156:ALA:HB3	1.94	0.68
1:E:68:PHE:HA	1:E:81:ALA:HB2	1.75	0.68
2:H:413:PHE:HA	2:H:421:PHE:HA	1.76	0.68
5:B:262:CYS:O	5:B:266:GLY:N	2.28	0.67
6:A:40:LEU:HA	6:A:45:GLY:HA2	1.77	0.67
2:H:470:LEU:HA	2:H:484:SER:HA	1.77	0.66
5:C:230:VAL:HA	5:C:270:ILE:H	1.61	0.66
1:F:21:ILE:HA	1:F:32:SER:HA	1.76	0.66
2:H:287:ALA:HB3	2:H:303:PHE:H	1.61	0.65
2:D:408:VAL:HA	2:D:425:SER:HA	1.78	0.65
2:D:483:TRP:HA	2:D:490:PRO:HA	1.78	0.65
2:D:233:ILE:HA	2:D:237:ALA:HB3	1.78	0.65
2:H:575:GLU:HA	2:H:578:ALA:HB3	1.80	0.64
5:B:92:SER:HA	5:B:103:ARG:HA	1.80	0.64
2:D:309:VAL:HA	2:D:326:THR:HA	1.79	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
2:H:504:VAL:HA	2:H:516:CYS:HA	1.80	0.64
6:f:961:GLU:N	6:f:972:ASN:O	2.32	0.63
6:f:1197:LEU:O	6:f:1202:PHE:N	2.27	0.63
6:e:1197:LEU:O	6:e:1202:PHE:N	2.31	0.63
1:F:78:ILE:HA	1:F:91:ILE:HA	1.82	0.62
3:i:68:HIS:HA	3:i:88:SER:HA	1.82	0.62
2:D:376:SER:H	2:D:380:LYS:H	1.47	0.62
2:D:409:THR:N	2:D:424:GLY:O	2.34	0.61
2:H:304:HIS:N	2:H:341:ARG:O	2.33	0.61
2:D:323:VAL:HA	2:D:333:LEU:HA	1.82	0.61
2:D:430:VAL:N	2:D:446:PHE:O	2.31	0.61
5:B:219:LEU:N	5:B:263:LEU:O	2.33	0.61
2:D:321:LEU:HA	2:D:335:ASP:HA	1.83	0.61
3:d:73:PHE:HA	3:d:86:PHE:HA	1.82	0.61
5:C:288:VAL:O	5:C:293:GLY:N	2.33	0.61
5:C:119:LEU:HA	5:C:122:ALA:HB3	1.82	0.61
2:D:548:ASN:H	2:D:562:GLY:HA3	1.66	0.61
4:k:63:TYR:HA	4:k:110:GLY:HA2	1.83	0.61
2:D:238:LYS:HA	2:D:574:GLY:H	1.65	0.60
2:D:287:ALA:HB3	2:D:303:PHE:H	1.66	0.60
5:B:288:VAL:O	5:B:293:GLY:N	2.34	0.60
1:E:67:THR:H	1:F:73:SER:HA	1.67	0.60
2:D:481:LYS:HA	2:D:493:SER:HA	1.84	0.60
2:D:504:VAL:HA	2:D:516:CYS:HA	1.84	0.59
6:e:719:THR:O	6:e:736:LYS:N	2.33	0.59
2:H:552:TRP:HA	2:H:559:ILE:HA	1.85	0.59
2:D:255:VAL:O	2:D:274:ASN:N	2.30	0.59
2:D:581:ARG:O	2:D:585:TRP:N	2.33	0.59
2:H:472:VAL:HA	2:H:482:LEU:HA	1.84	0.59
5:B:141:ARG:O	5:B:145:VAL:N	2.36	0.58
2:D:384:TRP:HA	2:D:393:GLN:H	1.67	0.58
1:E:23:VAL:HA	1:E:30:ILE:H	1.67	0.58
5:C:124:SER:O	5:C:128:LEU:N	2.34	0.58
5:B:221:HIS:N	5:B:264:GLN:O	2.35	0.58
3:d:77:TYR:HA	3:d:82:ALA:HA	1.84	0.58
2:H:333:LEU:O	2:H:344:VAL:N	2.35	0.58
6:f:719:THR:N	6:f:736:LYS:O	2.36	0.58
1:F:77:GLU:N	1:F:92:GLN:O	2.36	0.58
5:C:93:VAL:H	5:C:103:ARG:HA	1.68	0.58
2:D:423:VAL:O	2:D:431:TYR:N	2.37	0.58
2:D:523:LEU:N	2:D:539:ILE:O	2.30	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:E:70:ARG:HA	1:E:79:MET:HA	1.86	0.57
1:F:71:ILE:N	1:F:78:ILE:O	2.32	0.57
2:H:286:VAL:HA	2:H:304:HIS:HA	1.86	0.57
2:D:452:PRO:O	2:D:476:PHE:N	2.37	0.57
2:D:372:LEU:N	2:D:384:TRP:O	2.35	0.57
2:D:332:VAL:HA	2:D:346:ARG:HA	1.87	0.57
2:D:325:GLY:HA2	2:D:331:ILE:HA	1.86	0.57
2:H:432:THR:O	2:H:443:SER:N	2.27	0.56
2:D:482:LEU:O	2:D:491:LEU:N	2.38	0.56
5:C:141:ARG:O	5:C:145:VAL:N	2.35	0.56
6:G:40:LEU:HA	6:G:45:GLY:HA2	1.86	0.56
2:D:286:VAL:HA	2:D:304:HIS:HA	1.86	0.56
1:F:71:ILE:O	1:F:78:ILE:N	2.39	0.56
5:C:95:ASP:O	5:C:100:ASP:N	2.39	0.56
1:F:23:VAL:HA	1:F:29:PRO:HA	1.88	0.56
1:F:72:ARG:HA	1:F:77:GLU:HA	1.88	0.56
4:k:67:CYS:HA	4:k:106:VAL:HA	1.88	0.56
5:C:144:THR:O	5:C:148:SER:N	2.34	0.56
2:D:381:ILE:N	2:D:396:MET:O	2.35	0.56
2:H:310:MET:N	2:H:325:GLY:O	2.35	0.55
2:D:308:ALA:O	2:D:327:TYR:N	2.31	0.55
2:D:552:TRP:HA	2:D:559:ILE:HA	1.89	0.55
2:D:257:SER:N	2:D:272:SER:O	2.40	0.55
2:D:454:THR:N	2:D:474:SER:O	2.40	0.55
2:D:413:PHE:HA	2:D:421:PHE:HA	1.87	0.55
2:D:360:CYS:O	2:D:375:ILE:N	2.39	0.55
2:H:374:SER:N	2:H:382:CYS:O	2.40	0.54
2:H:454:THR:H	2:H:475:SER:HA	1.72	0.54
5:B:118:LEU:O	5:B:122:ALA:N	2.36	0.54
5:B:58:LEU:N	5:B:132:LEU:O	2.38	0.54
2:D:285:GLY:O	2:D:305:CYS:N	2.40	0.54
2:D:501:VAL:HA	2:D:518:ASP:HA	1.89	0.54
2:H:473:THR:O	2:H:481:LYS:N	2.38	0.54
4:k:81:SER:HA	4:v:66:THR:HA	1.88	0.54
6:e:996:LEU:O	6:e:1019:TYR:N	2.41	0.54
5:B:133:VAL:N	5:B:226:PRO:O	2.40	0.53
6:f:715:GLY:HA2	6:f:825:GLU:H	1.73	0.53
6:f:723:THR:O	6:f:732:VAL:N	2.40	0.53
6:A:120:LYS:HA	6:A:135:LEU:HA	1.91	0.53
2:H:366:THR:N	2:H:369:ALA:O	2.42	0.53
1:E:69:LEU:N	1:E:80:VAL:O	2.41	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:E:57:VAL:O	1:E:61:ASP:N	2.33	0.53
2:H:381:ILE:N	2:H:396:MET:O	2.37	0.53
5:B:358:ASP:O	5:B:362:PHE:N	2.34	0.53
5:C:93:VAL:O	5:C:102:THR:N	2.39	0.53
2:D:244:GLN:HA	2:D:569:VAL:HA	1.91	0.53
5:C:262:CYS:O	5:C:267:ALA:N	2.42	0.53
5:C:59:VAL:N	5:C:107:TRP:O	2.40	0.53
2:D:527:ASN:O	2:D:531:ASP:N	2.37	0.52
5:C:279:ASN:O	5:C:283:LEU:N	2.38	0.52
5:B:318:LYS:O	5:B:322:ILE:N	2.38	0.52
2:H:473:THR:N	2:H:481:LYS:O	2.41	0.52
5:B:279:ASN:O	5:B:283:LEU:N	2.41	0.52
2:D:474:SER:HA	2:D:480:VAL:HA	1.91	0.52
1:F:70:ARG:HA	1:F:79:MET:HA	1.92	0.51
2:H:350:SER:N	2:H:353:ALA:HB3	2.25	0.51
4:k:68:VAL:N	4:k:105:ILE:O	2.38	0.51
6:e:717:ILE:O	6:e:737:VAL:N	2.42	0.51
2:D:471:PHE:O	2:D:483:TRP:N	2.42	0.51
1:F:27:GLY:HA2	1:F:44:SER:HA	1.92	0.51
4:v:64:ILE:O	4:v:109:PHE:N	2.43	0.51
6:e:725:VAL:N	6:e:728:ARG:O	2.43	0.51
2:H:482:LEU:N	2:H:492:TYR:O	2.35	0.51
3:d:78:LEU:N	3:d:81:VAL:O	2.39	0.51
2:D:421:PHE:N	2:D:433:ALA:O	2.39	0.51
6:e:715:GLY:O	6:e:825:GLU:N	2.43	0.51
2:D:482:LEU:N	2:D:492:TYR:O	2.44	0.51
2:D:505:MET:N	2:D:515:ALA:O	2.43	0.51
2:H:380:LYS:HA	2:H:397:GLU:HA	1.93	0.51
6:A:79:VAL:O	6:A:116:LEU:N	2.44	0.51
2:D:372:LEU:O	2:D:384:TRP:N	2.44	0.51
6:A:116:LEU:HA	6:A:139:THR:HA	1.93	0.51
2:D:362:ASN:O	2:D:373:ILE:N	2.44	0.51
2:D:526:TRP:HA	2:D:536:THR:H	1.75	0.51
1:F:68:PHE:HA	1:F:81:ALA:HA	1.93	0.50
2:D:431:TYR:HA	2:D:445:MET:HA	1.92	0.50
1:F:80:VAL:HA	1:F:89:ILE:HA	1.93	0.50
2:D:376:SER:H	2:D:380:LYS:N	2.08	0.50
2:H:373:ILE:HA	2:H:383:SER:HA	1.94	0.50
2:H:421:PHE:O	2:H:433:ALA:N	2.39	0.50
2:H:333:LEU:N	2:H:345:GLN:O	2.44	0.50
2:H:482:LEU:O	2:H:491:LEU:N	2.43	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
6:A:118:PHE:HA	6:A:137:VAL:HA	1.94	0.50
2:D:240:SER:O	2:D:572:ASP:N	2.35	0.50
2:D:247:ASP:O	2:D:251:SER:N	2.36	0.50
6:e:304:LEU:O	6:e:309:ARG:N	2.45	0.50
2:D:419:ASN:C	2:D:435:ARG:H	2.19	0.50
2:H:361:VAL:HA	2:H:374:SER:HA	1.94	0.49
2:H:479:THR:HA	2:H:495:GLU:HA	1.93	0.49
3:i:75:TYR:HA	3:i:84:LEU:HA	1.93	0.49
5:B:137:ALA:O	5:B:232:THR:N	2.44	0.49
2:D:455:GLY:O	2:D:474:SER:N	2.45	0.49
6:f:963:ARG:N	6:f:970:TYR:O	2.45	0.49
2:D:361:VAL:HA	2:D:374:SER:HA	1.94	0.49
2:H:561:VAL:N	2:H:569:VAL:O	2.34	0.49
1:E:69:LEU:HA	1:F:71:ILE:HA	1.93	0.49
1:F:22:VAL:N	1:F:31:LYS:O	2.46	0.49
2:H:227:GLU:O	2:H:231:GLY:N	2.43	0.49
2:H:526:TRP:HA	2:H:536:THR:H	1.78	0.49
2:D:364:VAL:H	2:D:372:LEU:HA	1.77	0.49
5:C:89:LEU:N	5:C:106:VAL:O	2.45	0.48
2:H:553:THR:N	2:H:558:GLU:O	2.44	0.48
2:H:561:VAL:O	2:H:569:VAL:N	2.36	0.48
2:D:350:SER:H	2:D:353:ALA:HB3	1.78	0.48
2:H:434:CYS:O	2:H:441:GLY:N	2.46	0.48
5:C:118:LEU:O	5:C:122:ALA:N	2.45	0.48
1:F:22:VAL:O	1:F:30:ILE:N	2.47	0.48
5:B:72:THR:O	5:B:77:ALA:N	2.35	0.48
2:D:430:VAL:O	2:D:446:PHE:N	2.38	0.48
2:D:241:LEU:HA	2:D:571:TYR:HA	1.95	0.48
2:D:304:HIS:N	2:D:341:ARG:O	2.35	0.48
5:C:180:ASP:O	5:C:184:TYR:N	2.46	0.48
5:C:262:CYS:O	5:C:266:GLY:N	2.47	0.48
2:D:324:GLY:O	2:D:332:VAL:N	2.47	0.47
6:A:115:SER:O	6:A:140:LEU:N	2.39	0.47
2:H:527:ASN:O	2:H:531:ASP:N	2.40	0.47
1:F:1:MET:O	1:F:5:GLU:N	2.41	0.47
2:D:312:ALA:HA	2:D:324:GLY:HA2	1.96	0.47
2:D:350:SER:N	2:D:353:ALA:HB3	2.30	0.47
6:f:715:GLY:HA2	6:f:825:GLU:N	2.29	0.47
6:f:998:ARG:N	6:f:1016:GLU:O	2.48	0.47
2:H:522:ARG:HA	2:H:540:SER:HA	1.97	0.46
5:B:54:GLY:O	5:B:105:ASN:N	2.48	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
5:C:95:ASP:H	5:C:101:HIS:HA	1.80	0.46
5:B:135:PHE:N	5:B:228:LEU:O	2.49	0.46
3:i:52:PRO:HA	3:i:53:THR:HA	1.53	0.46
2:D:412:SER:O	2:D:422:VAL:N	2.49	0.46
5:C:179:LYS:O	5:C:183:ASP:N	2.39	0.46
6:f:715:GLY:O	6:f:824:TRP:N	2.36	0.46
1:F:57:VAL:O	1:F:61:ASP:N	2.42	0.46
3:d:76:PHE:O	3:d:83:ILE:N	2.49	0.46
5:C:231:CYS:N	5:C:270:ILE:O	2.48	0.46
2:D:434:CYS:O	2:D:441:GLY:N	2.47	0.46
5:C:93:VAL:N	5:C:102:THR:O	2.49	0.46
2:H:515:ALA:HA	2:H:525:LEU:HA	1.98	0.45
2:D:358:VAL:HA	2:D:376:SER:HA	1.98	0.45
2:H:521:GLY:N	2:H:545:PRO:O	2.50	0.45
2:H:400:HIS:O	2:H:404:LYS:N	2.49	0.45
6:e:220:CYS:O	6:e:225:GLU:N	2.36	0.45
6:f:721:GLU:O	6:f:734:LYS:N	2.44	0.45
1:E:66:LEU:HA	1:F:74:LYS:H	1.82	0.45
1:F:82:PRO:HA	1:F:87:PHE:HA	1.98	0.45
2:H:503:ASP:O	2:H:517:VAL:N	2.42	0.45
2:D:193:SER:O	2:D:197:LEU:N	2.37	0.45
5:C:58:LEU:N	5:C:132:LEU:O	2.50	0.45
6:e:958:VAL:H	6:e:1106:VAL:N	2.14	0.45
6:e:998:ARG:N	6:e:1017:LYS:O	2.32	0.45
2:D:407:ALA:O	2:D:426:GLU:N	2.30	0.45
2:H:384:TRP:HA	2:H:392:PRO:HA	1.99	0.44
2:H:407:ALA:O	2:H:425:SER:HA	2.16	0.44
3:d:77:TYR:HA	3:d:83:ILE:H	1.82	0.44
2:H:229:LYS:O	2:H:233:ILE:N	2.50	0.44
1:F:9:LYS:O	1:F:13:SER:N	2.51	0.44
5:B:93:VAL:O	5:B:102:THR:N	2.42	0.44
2:D:232:GLU:HA	2:D:235:ALA:HB3	2.00	0.44
1:F:20:ILE:HA	1:F:90:VAL:HA	2.00	0.44
2:H:360:CYS:O	2:H:375:ILE:N	2.33	0.43
2:D:432:THR:O	2:D:443:SER:N	2.35	0.43
2:H:574:GLY:O	2:H:578:ALA:N	2.46	0.43
6:e:636:SER:O	6:e:640:ASP:N	2.51	0.43
6:f:1197:LEU:O	6:f:1201:ARG:N	2.52	0.43
2:D:502:TYR:N	2:D:517:VAL:O	2.51	0.43
5:C:247:ARG:O	5:C:251:LEU:N	2.41	0.43
2:H:331:ILE:O	2:H:347:THR:N	2.32	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
5:B:159:HIS:O	5:B:163:MET:N	2.52	0.42
5:C:220:THR:N	5:C:264:GLN:O	2.52	0.42
2:D:582:ASN:O	2:D:586:ALA:N	2.45	0.42
2:H:383:SER:O	2:H:393:GLN:N	2.53	0.42
5:B:44:SER:O	5:B:48:ARG:N	2.52	0.42
5:B:135:PHE:O	5:B:230:VAL:N	2.53	0.42
6:f:753:LEU:O	6:f:758:PHE:N	2.41	0.42
2:H:322:VAL:N	2:H:334:TRP:O	2.45	0.42
5:C:263:LEU:C	5:C:266:GLY:H	2.28	0.42
2:H:322:VAL:O	2:H:334:TRP:N	2.48	0.42
2:D:245:PHE:O	2:D:568:ILE:N	2.37	0.42
2:D:373:ILE:HA	2:D:383:SER:HA	2.01	0.42
5:B:136:VAL:HA	5:B:230:VAL:H	1.84	0.42
2:D:331:ILE:O	2:D:347:THR:N	2.53	0.42
4:k:82:SER:N	4:v:65:VAL:O	2.48	0.42
6:G:117:ALA:N	6:G:138:LEU:O	2.53	0.41
1:E:71:ILE:N	1:E:78:ILE:O	2.53	0.41
1:E:78:ILE:HA	1:E:91:ILE:HA	2.01	0.41
1:F:21:ILE:O	1:F:89:ILE:N	2.50	0.41
6:f:441:LYS:O	6:f:445:ASN:N	2.48	0.41
5:B:73:LYS:C	5:B:76:GLY:H	2.28	0.41
5:C:92:SER:HA	5:C:103:ARG:HA	2.02	0.41
6:A:38:VAL:O	6:A:42:LEU:N	2.41	0.41
2:D:381:ILE:O	2:D:396:MET:N	2.54	0.41
5:C:133:VAL:O	5:C:228:LEU:N	2.49	0.41
2:D:256:VAL:HA	2:D:273:TYR:HA	2.02	0.41
2:D:383:SER:O	2:D:393:GLN:N	2.54	0.41
3:i:73:PHE:HA	3:i:86:PHE:HA	2.02	0.41
6:f:717:ILE:O	6:f:719:THR:N	2.54	0.41
6:f:804:LEU:O	6:f:894:SER:N	2.53	0.40
6:G:77:VAL:O	6:G:118:PHE:N	2.39	0.40

There are no symmetry-related clashes.

5.3 Torsion angles

5.3.1 Protein backbone

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	E	94/96 (98%)	78 (83%)	16 (17%)	0	100	100
1	F	94/96 (98%)	82 (87%)	12 (13%)	0	100	100
2	D	412/612 (67%)	368 (89%)	44 (11%)	0	100	100
2	H	427/612 (70%)	384 (90%)	43 (10%)	0	100	100
2	g	29/612 (5%)	28 (97%)	1 (3%)	0	100	100
2	h	29/612 (5%)	23 (79%)	6 (21%)	0	100	100
3	d	87/89 (98%)	80 (92%)	7 (8%)	0	100	100
3	i	87/89 (98%)	82 (94%)	4 (5%)	1 (1%)	12	47
4	k	99/113 (88%)	96 (97%)	3 (3%)	0	100	100
4	v	99/113 (88%)	98 (99%)	1 (1%)	0	100	100
5	B	320/492 (65%)	285 (89%)	34 (11%)	1 (0%)	37	73
5	C	320/492 (65%)	292 (91%)	27 (8%)	1 (0%)	37	73
6	A	146/4843 (3%)	140 (96%)	6 (4%)	0	100	100
6	G	146/4843 (3%)	142 (97%)	4 (3%)	0	100	100
6	e	1146/4843 (24%)	1087 (95%)	59 (5%)	0	100	100
6	f	1143/4843 (24%)	1073 (94%)	67 (6%)	3 (0%)	37	73
All	All	4678/23400 (20%)	4338 (93%)	334 (7%)	6 (0%)	50	83

All (6) Ramachandran outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
5	C	349	VAL
6	f	451	ARG
6	f	452	ILE
5	B	349	VAL
6	f	1236	VAL
3	i	51	ASN

5.3.2 Protein sidechains ⓘ

There are no protein residues with a non-rotameric sidechain to report in this entry.

5.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

5.5 Carbohydrates [i](#)

There are no oligosaccharides in this entry.

5.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

5.7 Other polymers [i](#)

There are no such residues in this entry.

5.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

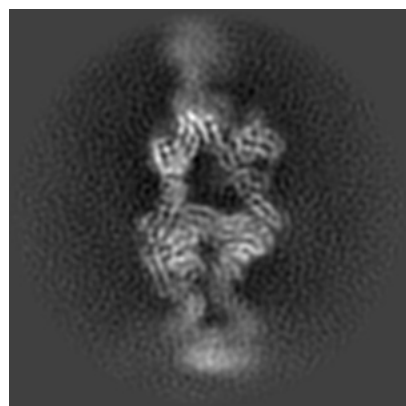
6 Map visualisation [i](#)

This section contains visualisations of the EMDB entry EMD-47430. These allow visual inspection of the internal detail of the map and identification of artifacts.

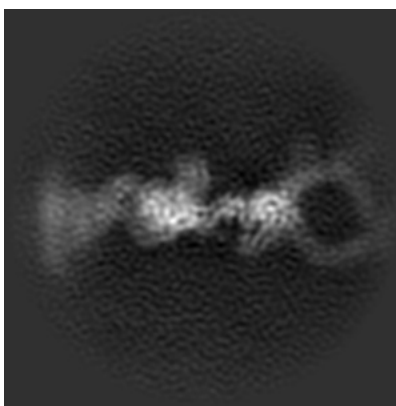
Images derived from a raw map, generated by summing the deposited half-maps, are presented below the corresponding image components of the primary map to allow further visual inspection and comparison with those of the primary map.

6.1 Orthogonal projections [i](#)

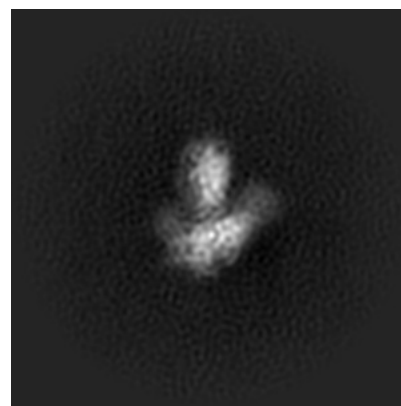
6.1.1 Primary map



X

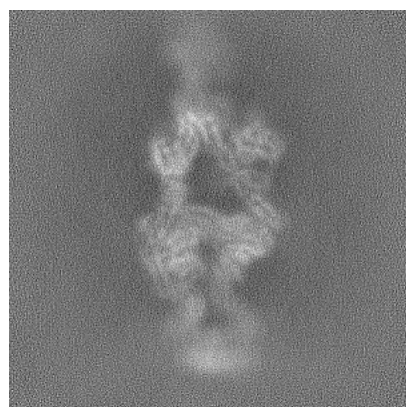


Y

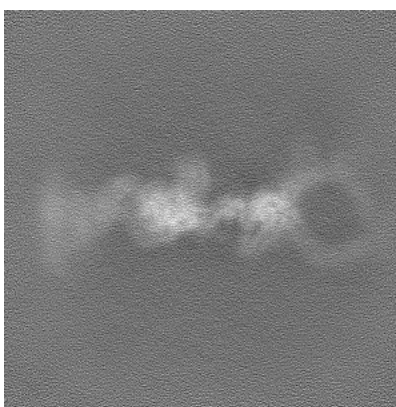


Z

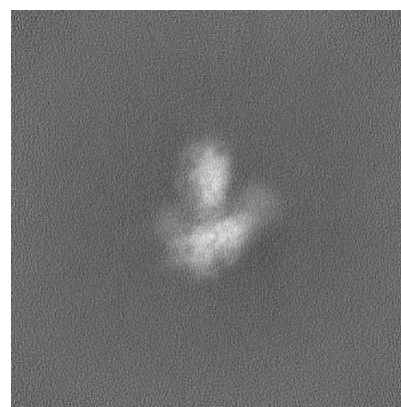
6.1.2 Raw map



X



Y

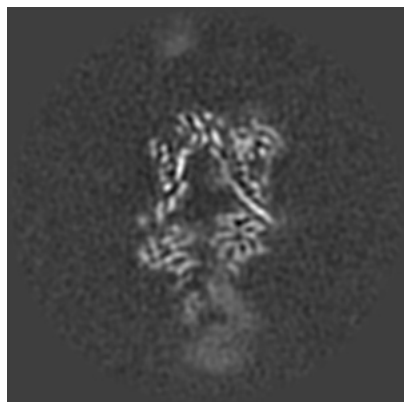


Z

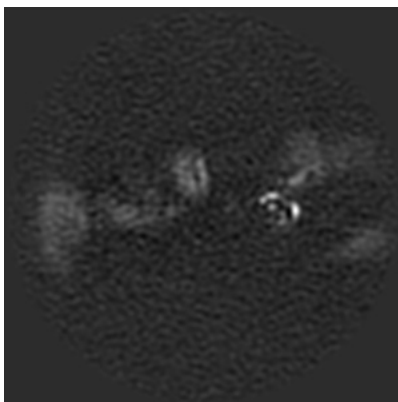
The images above show the map projected in three orthogonal directions.

6.2 Central slices [i](#)

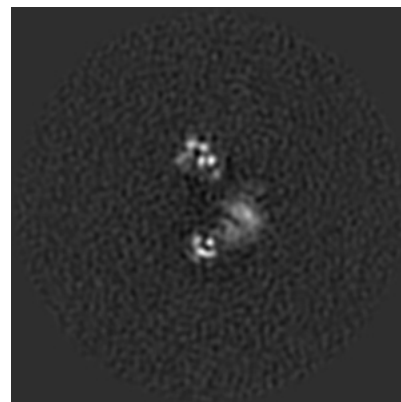
6.2.1 Primary map



X Index: 208

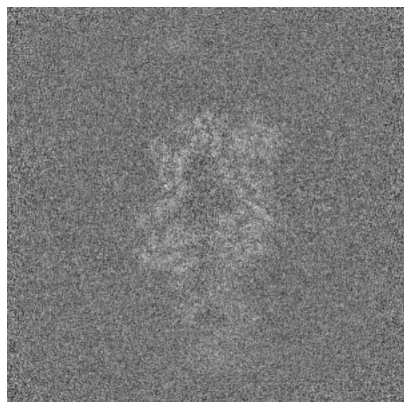


Y Index: 208

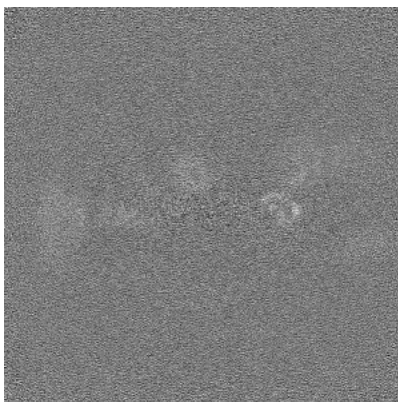


Z Index: 208

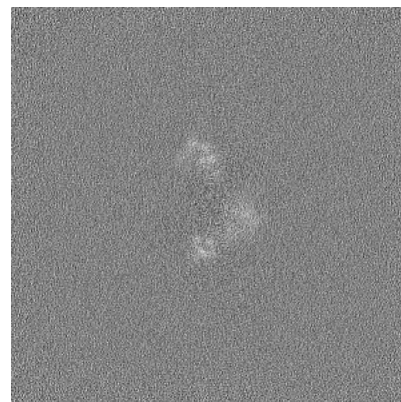
6.2.2 Raw map



X Index: 208



Y Index: 208



Z Index: 208

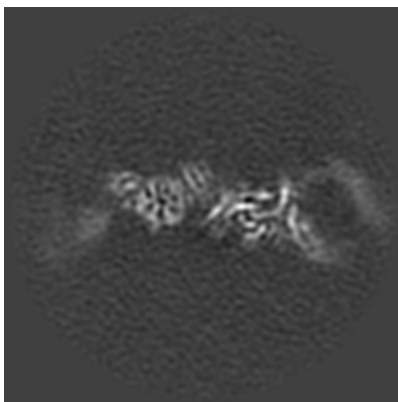
The images above show central slices of the map in three orthogonal directions.

6.3 Largest variance slices [i](#)

6.3.1 Primary map



X Index: 206

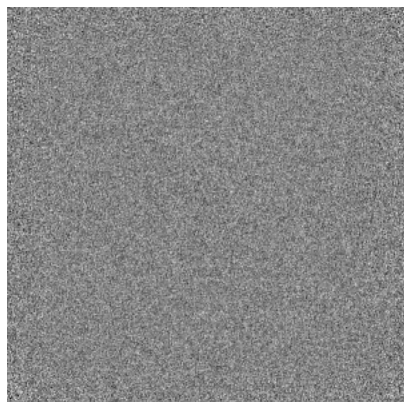


Y Index: 179

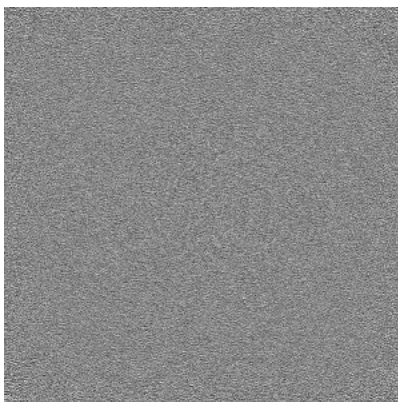


Z Index: 269

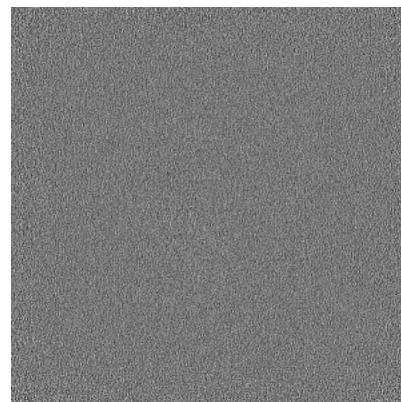
6.3.2 Raw map



X Index: 0



Y Index: 0

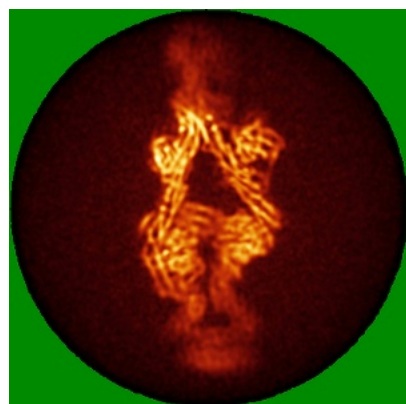


Z Index: 0

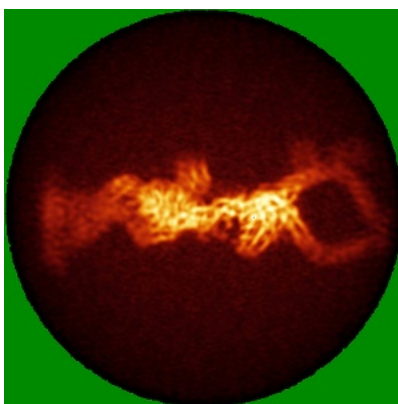
The images above show the largest variance slices of the map in three orthogonal directions.

6.4 Orthogonal standard-deviation projections (False-color) [i](#)

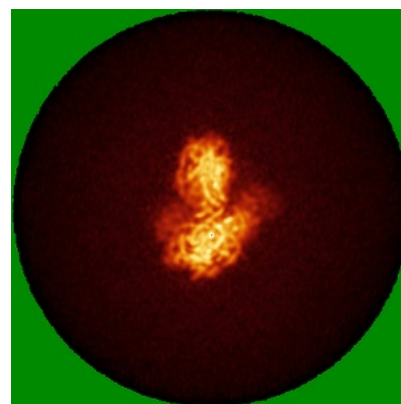
6.4.1 Primary map



X

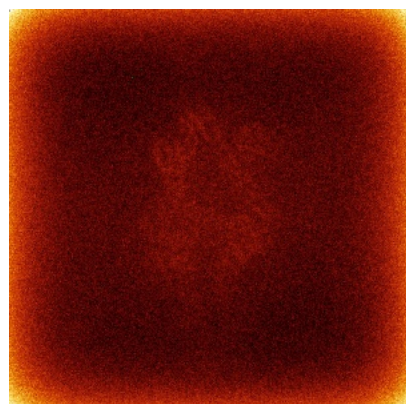


Y

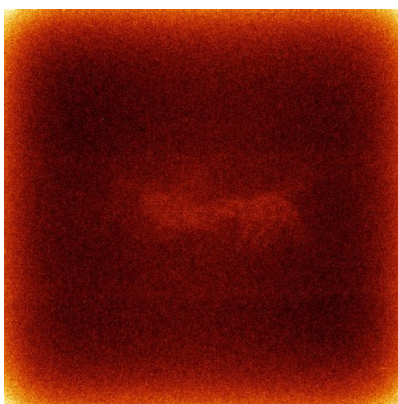


Z

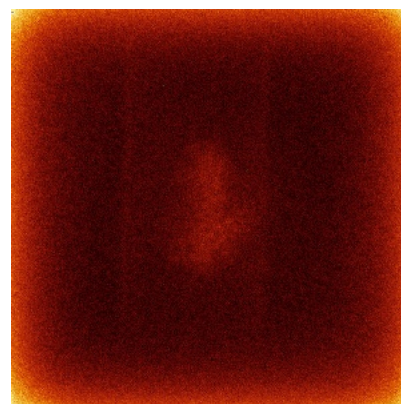
6.4.2 Raw map



X



Y

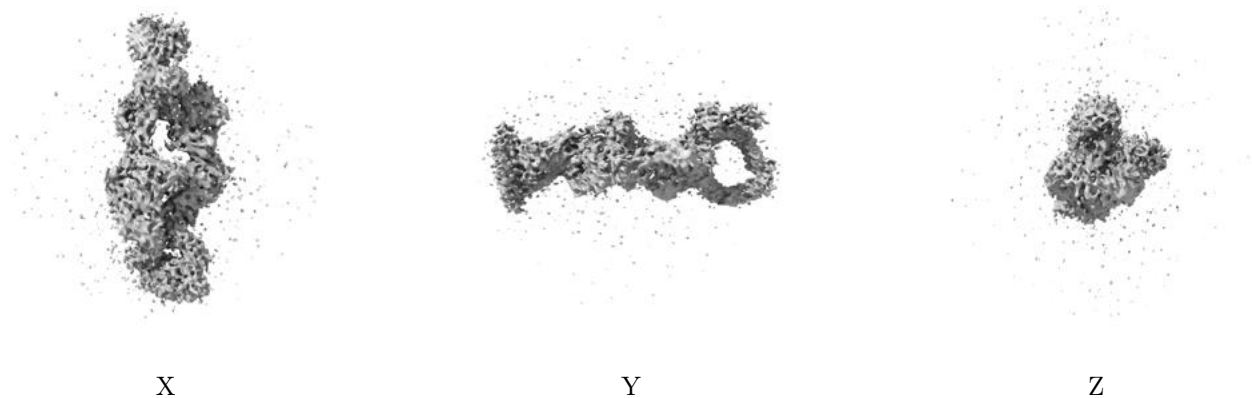


Z

The images above show the map standard deviation projections with false color in three orthogonal directions. Minimum values are shown in green, max in blue, and dark to light orange shades represent small to large values respectively.

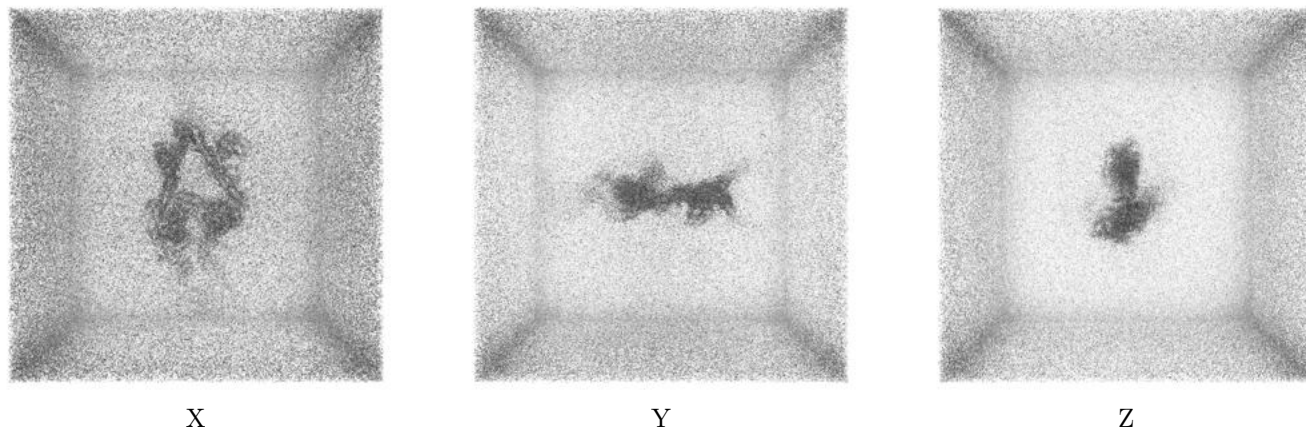
6.5 Orthogonal surface views [i](#)

6.5.1 Primary map



The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.0339. These images, in conjunction with the slice images, may facilitate assessment of whether an appropriate contour level has been provided.

6.5.2 Raw map



These images show the 3D surface of the raw map. The raw map's contour level was selected so that its surface encloses the same volume as the primary map does at its recommended contour level.

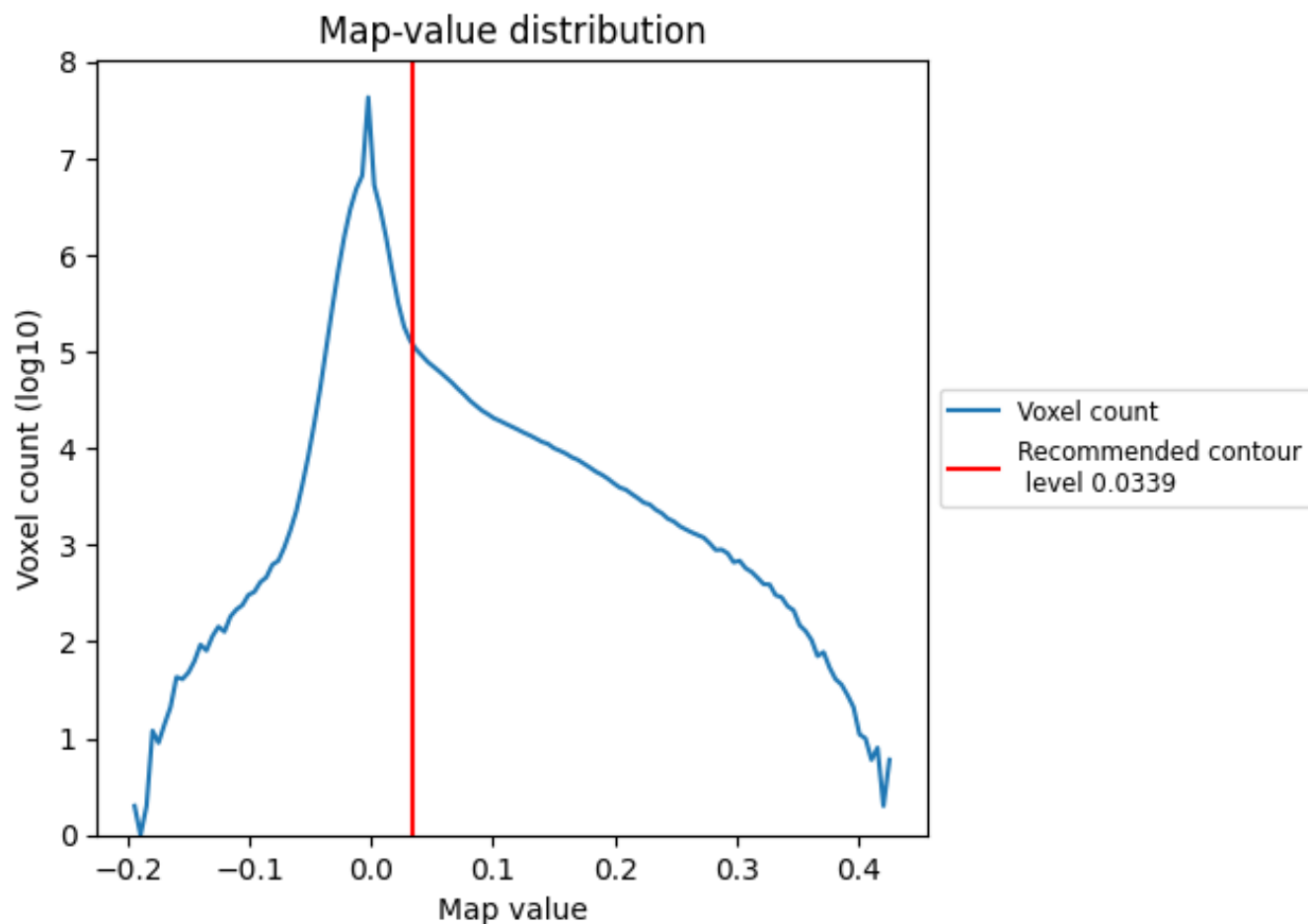
6.6 Mask visualisation [i](#)

This section was not generated. No masks/segmentation were deposited.

7 Map analysis [i](#)

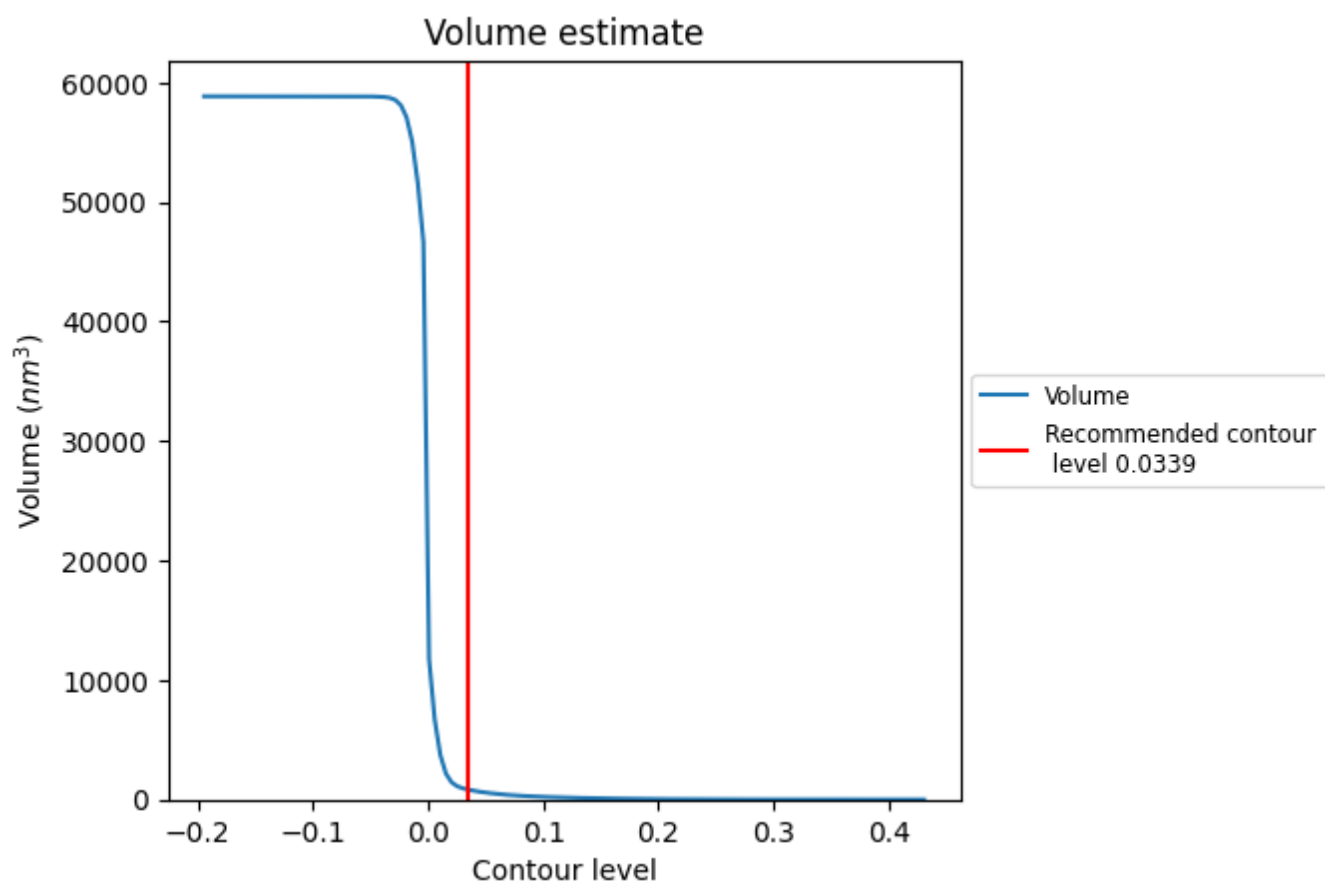
This section contains the results of statistical analysis of the map.

7.1 Map-value distribution [i](#)



The map-value distribution is plotted in 128 intervals along the x-axis. The y-axis is logarithmic. A spike in this graph at zero usually indicates that the volume has been masked.

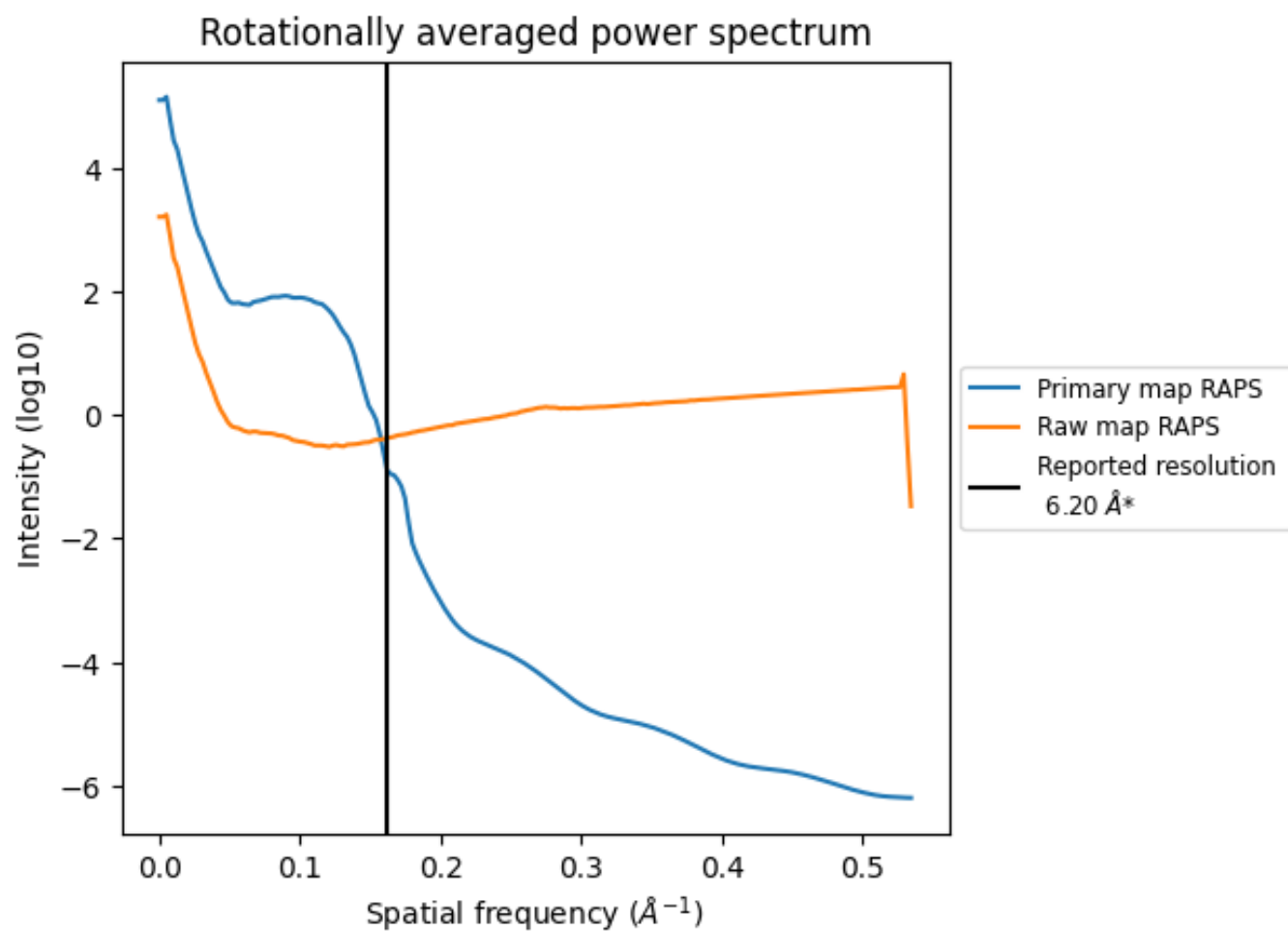
7.2 Volume estimate [i](#)



The volume at the recommended contour level is 854 nm³; this corresponds to an approximate mass of 772 kDa.

The volume estimate graph shows how the enclosed volume varies with the contour level. The recommended contour level is shown as a vertical line and the intersection between the line and the curve gives the volume of the enclosed surface at the given level.

7.3 Rotationally averaged power spectrum ⓘ

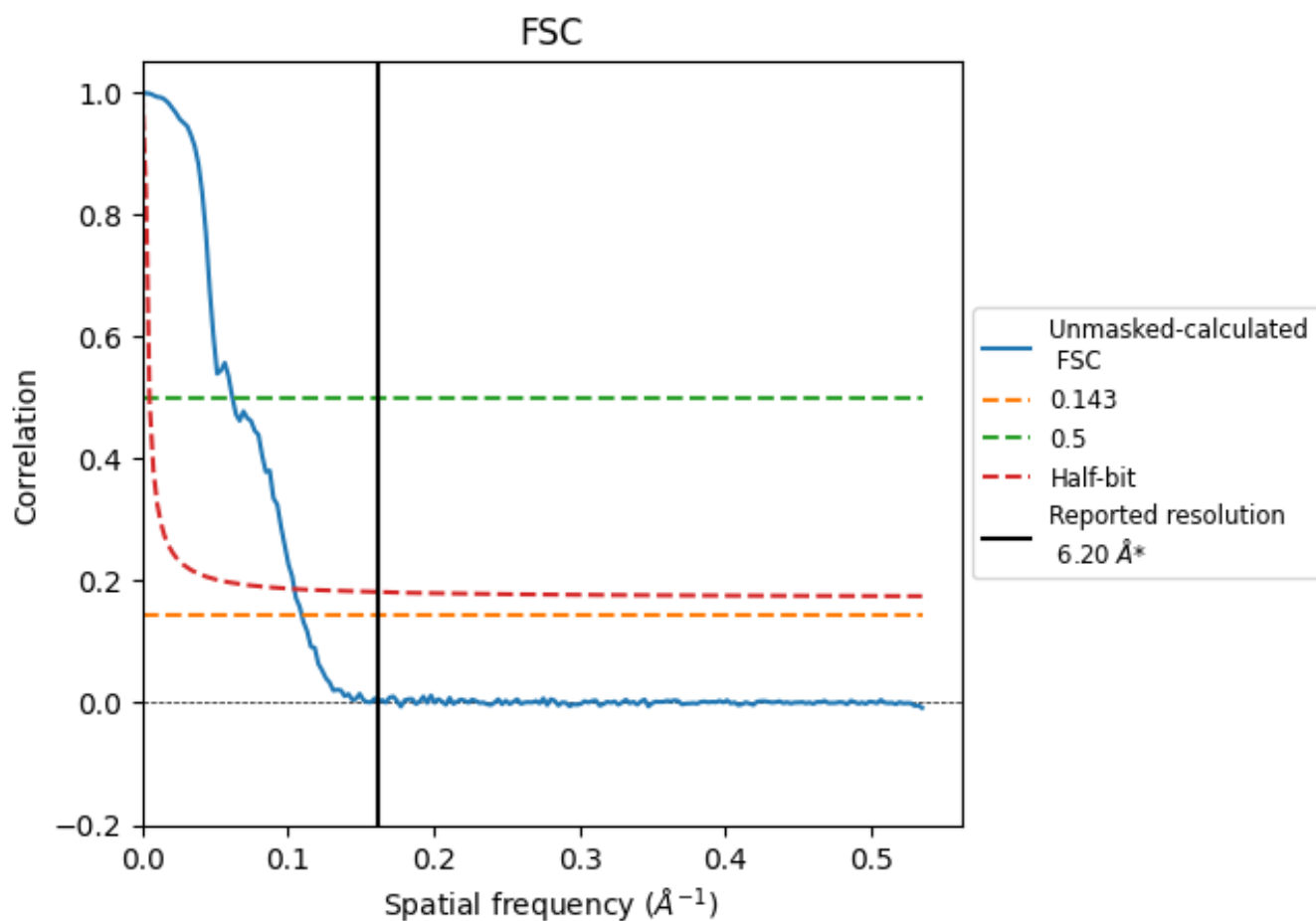


*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.161 Å⁻¹

8 Fourier-Shell correlation [i](#)

Fourier-Shell Correlation (FSC) is the most commonly used method to estimate the resolution of single-particle and subtomogram-averaged maps. The shape of the curve depends on the imposed symmetry, mask and whether or not the two 3D reconstructions used were processed from a common reference. The reported resolution is shown as a black line. A curve is displayed for the half-bit criterion in addition to lines showing the 0.143 gold standard cut-off and 0.5 cut-off.

8.1 FSC [i](#)



*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.161 \AA^{-1}

8.2 Resolution estimates [i](#)

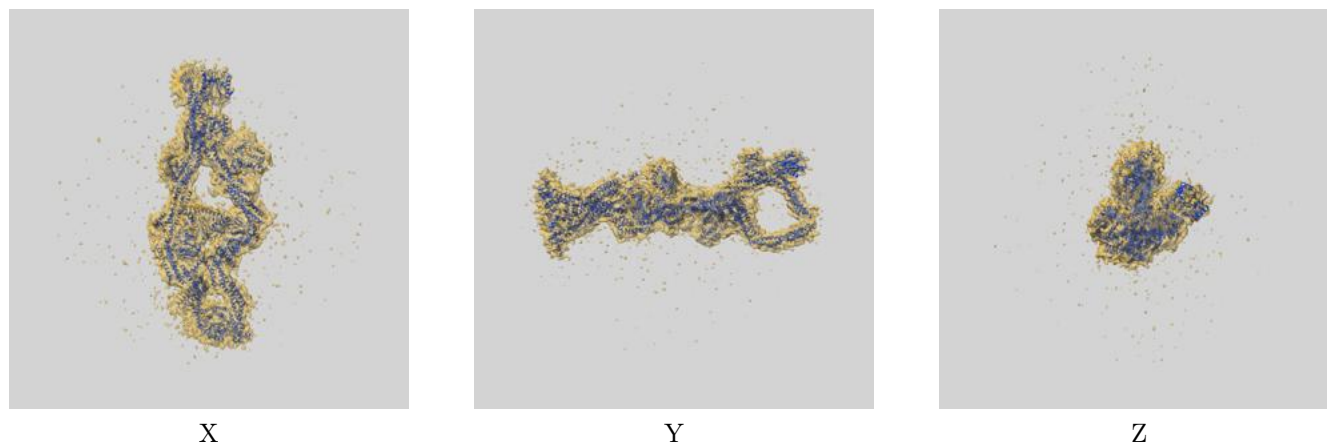
Resolution estimate (Å)	Estimation criterion (FSC cut-off)		
	0.143	0.5	Half-bit
Reported by author	6.20	-	-
Author-provided FSC curve	-	-	-
Unmasked-calculated*	9.14	16.18	9.58

*Resolution estimate based on FSC curve calculated by comparison of deposited half-maps. The value from deposited half-maps intersecting FSC 0.143 CUT-OFF 9.14 differs from the reported value 6.2 by more than 10 %

9 Map-model fit [i](#)

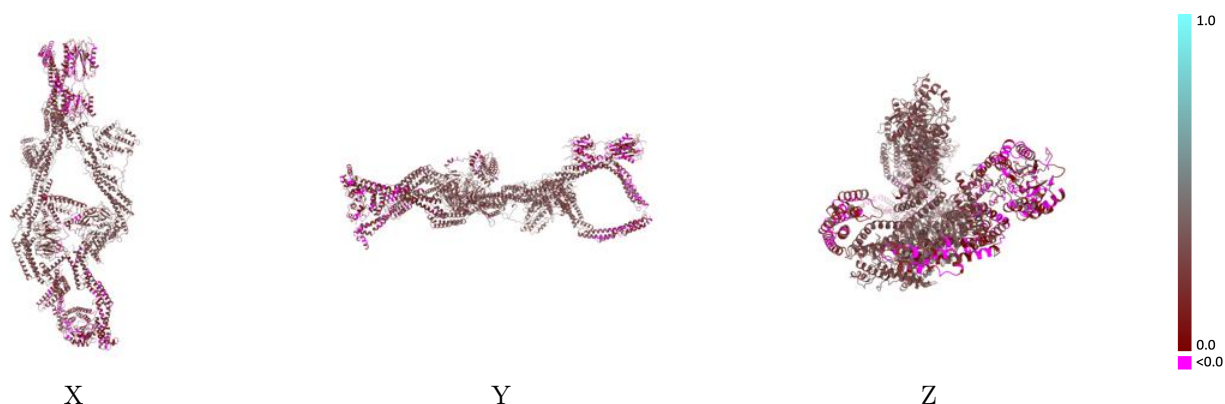
This section contains information regarding the fit between EMDB map EMD-47430 and PDB model 9E23. Per-residue inclusion information can be found in section [3](#) on page [25](#).

9.1 Map-model overlay [i](#)



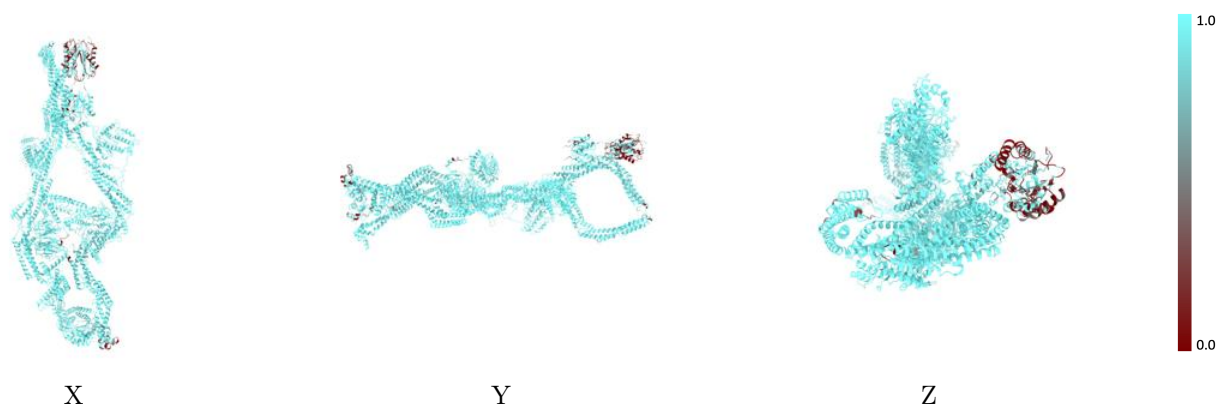
The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.0339 at 50% transparency in yellow overlaid with a ribbon representation of the model coloured in blue. These images allow for the visual assessment of the quality of fit between the atomic model and the map.

9.2 Q-score mapped to coordinate model [i](#)



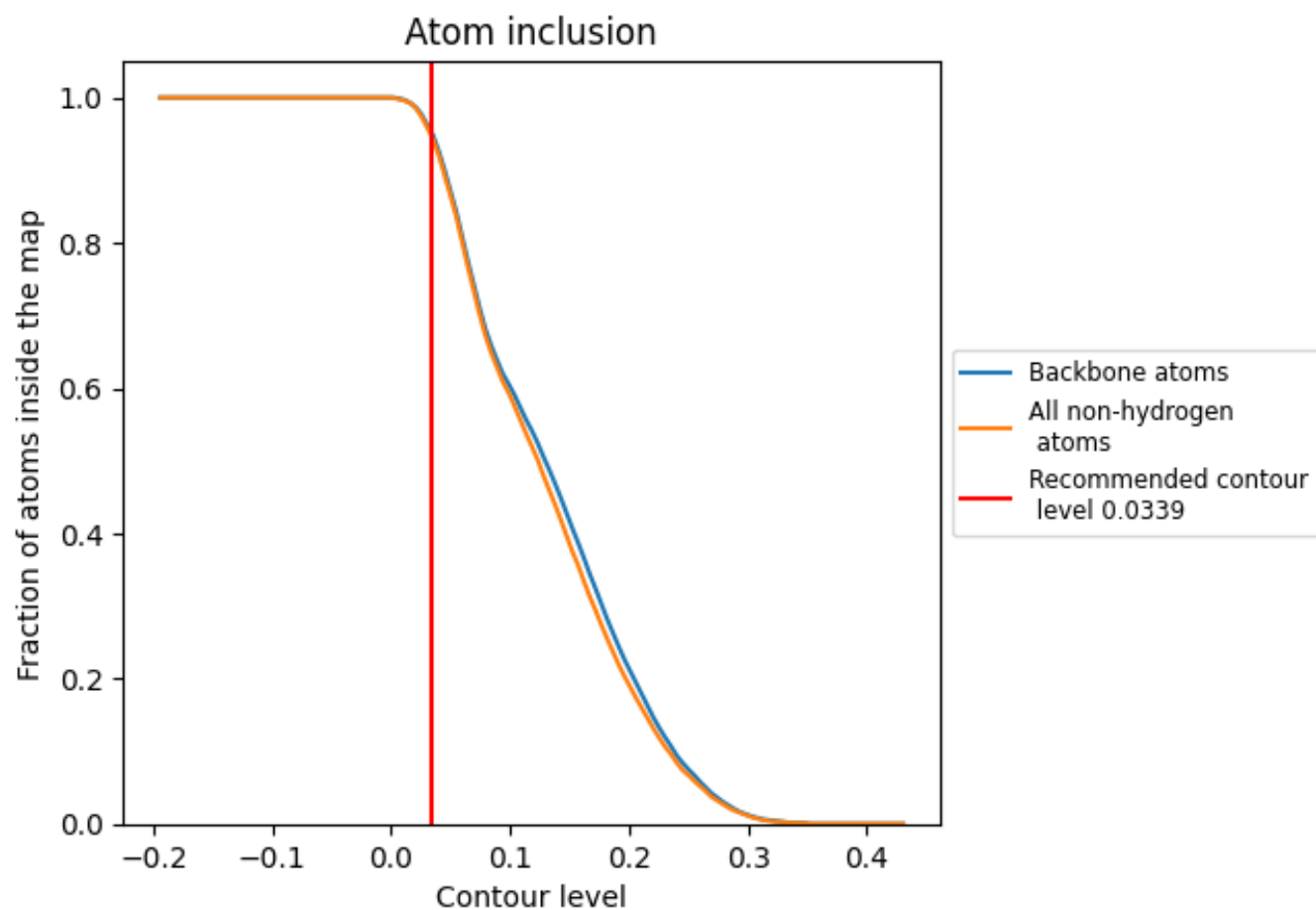
The images above show the model with each residue coloured according to its Q-score. This shows their resolvability in the map with higher Q-score values reflecting better resolvability. Please note: Q-score is calculating the resolvability of atoms, and thus high values are only expected at resolutions at which atoms can be resolved. Low Q-score values may therefore be expected for many entries.

9.3 Atom inclusion mapped to coordinate model [i](#)



The images above show the model with each residue coloured according to its atom inclusion. This shows to what extent they are inside the map at the recommended contour level (0.0339).



































9.4 Atom inclusion [i](#)



At the recommended contour level, 95% of all backbone atoms, 95% of all non-hydrogen atoms, are inside the map.

9.5 Map-model fit summary

The table lists the average atom inclusion at the recommended contour level (0.0339) and Q-score for the entire model and for each chain.

Chain	Atom inclusion	Q-score
All	 0.9470	 0.2380
A	 0.9920	 0.1480
B	 0.9990	 0.3100
C	 0.9990	 0.3080
D	 1.0000	 0.2770
E	 0.9960	 0.2240
F	 0.9770	 0.2410
G	 0.9170	 0.1320
H	 0.9750	 0.2620
d	 0.9210	 0.1720
e	 0.9910	 0.2410
f	 0.9700	 0.2480
g	 0.7340	 0.2210
h	 0.6560	 0.1760
i	 0.8030	 0.0820
k	 0.4560	 0.0940
v	 0.3510	 0.0840

